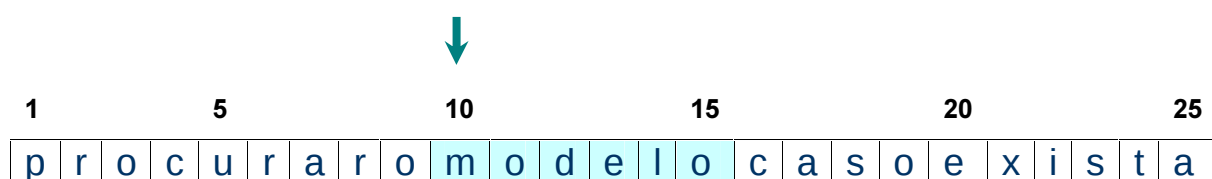


Capítulo 2 : Concordância de Modelos (pesquisa de padrões) (*pattern matching*)

- Em grande parte dos casos de pesquisa, o que se pretende encontrar não é um elemento simples mas sim uma determinada sequência.

□ **Problema:** Numa **cadeia** de caracteres, procurar ocorrências (**concordâncias**) de um dado **padrão (modelo)**.



(uma **concordância** ocorre a partir de **i = 10**)

■ **Aplicações:** Todo o tipo de pesquisas (em estruturas sequenciais):

palavras (ou frases) em textos;
sub-listas em listas;

processadores de texto; motores de busca;
biologia molecular; bibliotecas digitais; criminologia;
filtros de *spam*; imagens digitais; ...

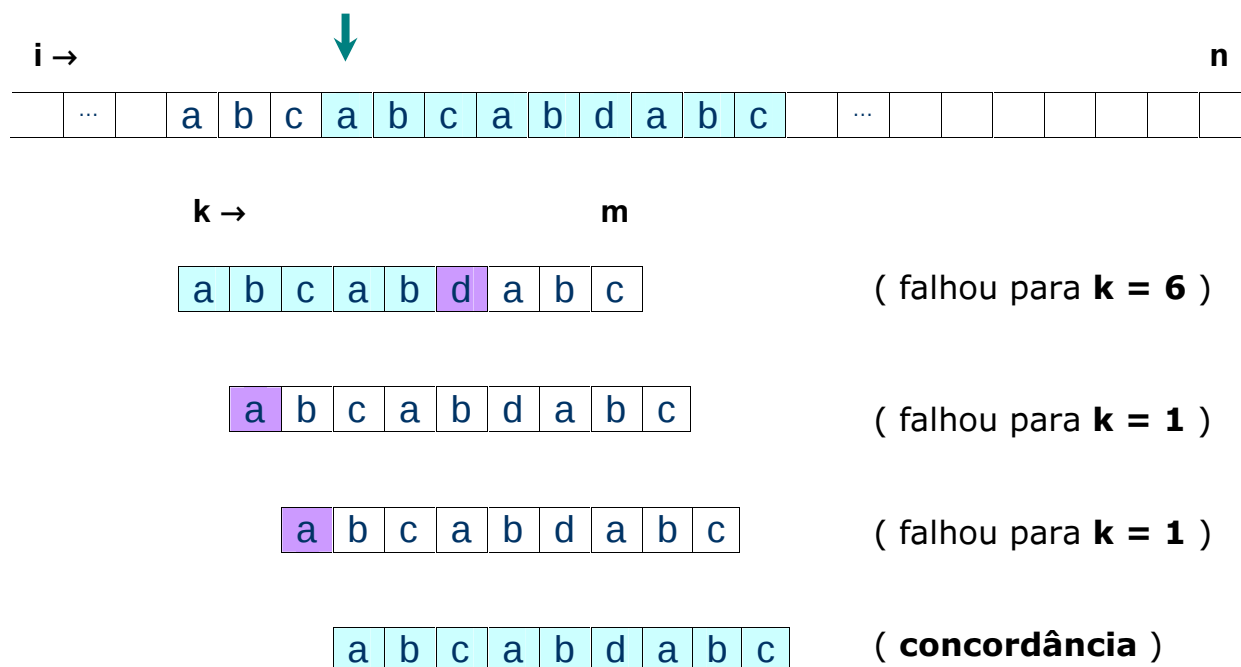
□ **Especificação:**

Dados: **cadeia:** $s[1..n]$
 padrão: $p[1..m]$ (onde $n \gg m$)

Resultado: **localização** do início do padrão na cadeia:

$$\{ i \in [1..n] : \forall k \in [1..m] \Rightarrow s[i + k - 1] = p[k] \}$$

- ❑ **Solução Trivial:** Ir deslocando o modelo ao longo da cadeia, comparando caracter a caracter.



▪ Complexidade da Solução Trivial:

- No **pior caso** são realizadas $m \times n$ comparações.
- Qual a instância que gera o pior caso?
- Quais são os modelos "difíceis"?
- Necessidade de um algoritmo **linear** em n .

{ solução trivial }

```

procedure PesquisarModelo ( s, p : cadeia; m, n : integer;
                             var indice : integer; var achou : boolean);
var   i, j, k : integer;
       iguais : boolean;

begin   i := 0;
        achou := false;

        while not achou and ( i < n-m+1) do
            begin { não começa em [1..i-1] e achou = (começa em i) }
                  { não começa em [1..i] }
                  { avançar modelo na cadeia }
                  i = i + 1;
                  k := 0;
                  iguais := true;

                  while iguais and ( k < m ) do
                      begin { concordância até k-1
                            e iguais = (s[i + k - 1] = p[k]) }
                            { concordância até k }
                            { avançar no modelo }
                            k := k + 1 ;
                            iguais := s[i + k - 1] = p[k]
                            { concordância até k-1
                            e iguais = (s[i + k - 1] = p[k]) }

                      end;
                  { não iguais ou (k ≥ m) } { iguais = (s[i + k - 1] = p[k]) }

                  achou := iguais
                  { não começa em [1..i-1] e achou = (começa em i) }
            end;
        { achou ou (i ≥ n-m+1) } { achou = (começa em i) }

        { achou = ( ∃ i ∈ [1..n] : ∀ k ∈ [1..m] ⇒ s[i + k - 1] = p[k]) }

        if achou
            then indice := i   { indice ∈ [1..n] : ∀ k ∈ [1..m] ⇒ s[indice + k - 1] = p[k] }
            else indice := 0   { indice ∉ [1..n] }

    end; { PesquisarModelo }

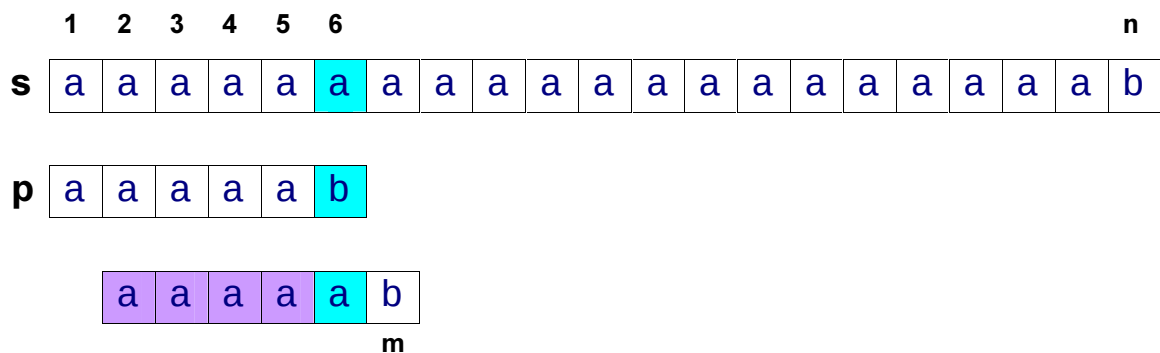
```

📌 Algoritmo de Knuth – Morris – Pratt (*KMP*) (1976)



- **A ideia:**

- Analisemos um exemplo do pior caso:



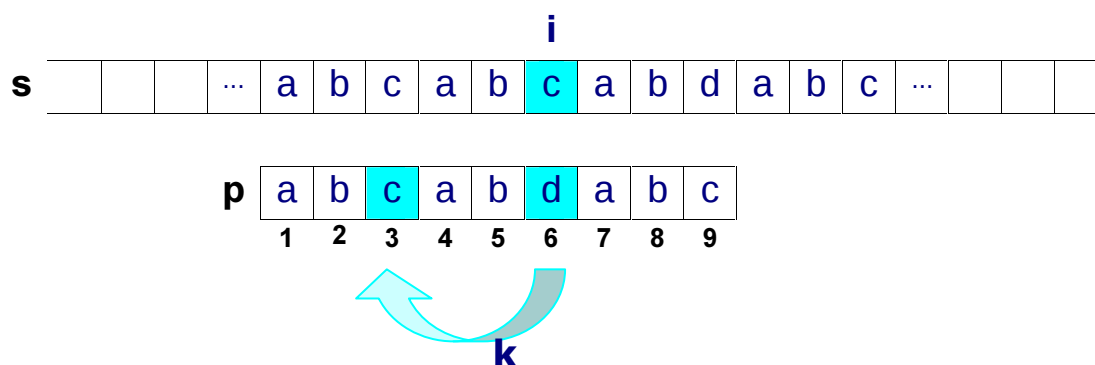
- Seriam efectuadas $(n-m+1) \times m$ comparações.

Após a comparação $s[6] \neq p[6]$,
o algoritmo trivial avançaria o padrão e voltaria a comparar:
 $s[2] = p[1]$; $s[3] = p[2]$; $s[4] = p[3]$; $s[5] = p[4]$; $s[6] = p[5]$; ...

Deveria comparar apenas `s[6] = p[5] !`

- Pretendemos um algoritmo onde concordâncias anteriores não voltem a ser testadas. Só assim poderá ser linear em n .
- Os casos “maus” são provocados por concordâncias parciais.
- As concordâncias parciais são provocadas por repetições dentro do modelo.
- Pretendemos um algoritmo que “conheça” as repetições existentes no modelo.

- Como registrar as repetições?
- Voltando ao primeiro exemplo:



Após a comparação $s[i] \neq p[6]$ o algoritmo
deveria comparar $s[i] = p[3]$

Porque no padrão existem as repetições $p[1] = p[4]$ e $p[2] = p[5]$

- As **Repetições** em p vão ser registadas num vector auxiliar.

p	a	b	c	a	b	d	a	b	c
	1	2	3	4	5	6	7	8	9
R	0	0	0	1	2	0	1	2	3

$$p[4] = p[1] \Rightarrow R[4] = 1$$

$$p[5] = p[2] \Rightarrow R[5] = 2$$

$$p[6] \neq p[3] \Rightarrow R[6] = 0$$

$$p[7] = p[1] \Rightarrow R[7] = 1$$

$$p[8] = p[2] \Rightarrow R[8] = 2$$

$$p[9] = p[3] \Rightarrow R[9] = 3$$

p	a	a	a	a	a	b
	1	2	3	4	5	6
R	0	1	2	3	4	0

$$p[5] = p[4] = p[3] = p[2] = p[1]$$

▪ Algoritmo para a construção do vector R:

```

R[1] ← 0
k ← 1
para i = 2 .. m
    se p[i] = p[k]
    então R[i] ← k
        k ← k + 1
    senão R[i] ← 0
        k ← 1

```

procedure construirR (p : cadeia; m : integer; **var** R : vector);
var i, k : integer;

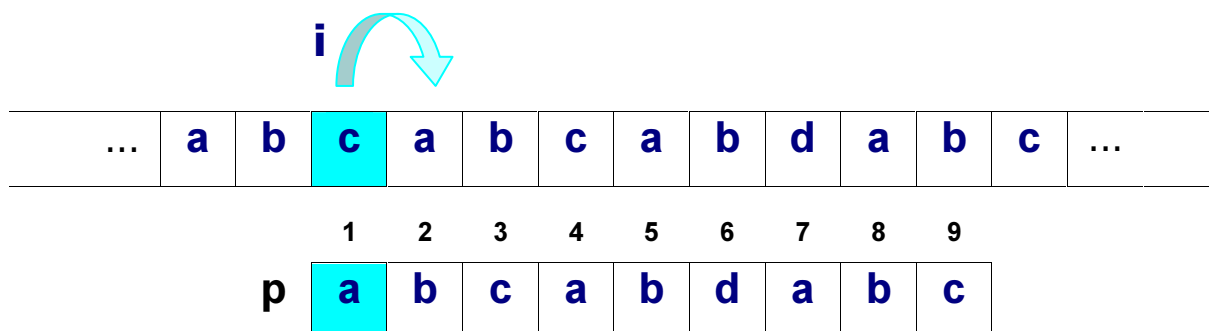
begin for i := 1 **to** m **do**
 R[i] := 0;

 k := 1;
for i := 2 **to** m **do**
if p[i] = p[k]
then begin R[i] := k;
 k := k + 1
end
else k := 1

end; { construirR }

■ O algoritmo KMP:

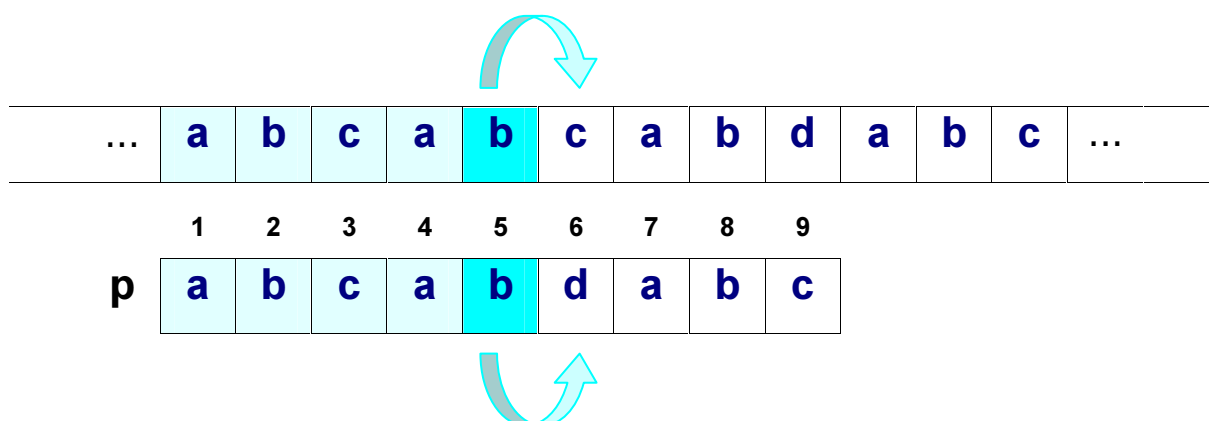
- Se foi verificada uma **desigualdade** para **k = 1** :



o modelo avança na cadeia, continuando $k = 1$,

$$i \leftarrow i + 1$$

- Como continuar o processo após uma **concordância parcial**?
- Se foi verificada uma **igualdade** $s[i] = p[k]$, como para **k = 5** :

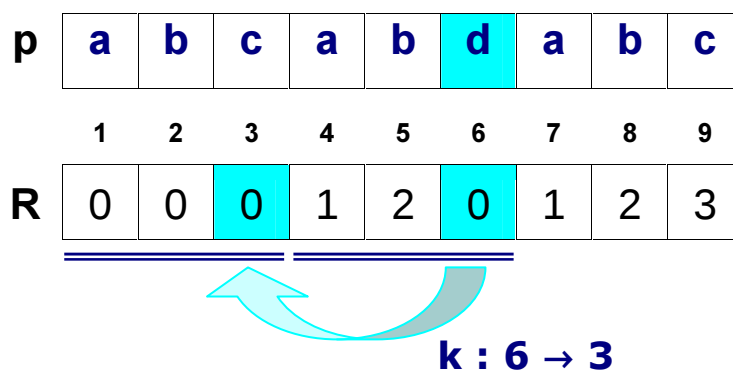


deverão ser comparados os dois caracteres seguintes,

$$i \leftarrow i + 1$$

$$k \leftarrow k + 1$$

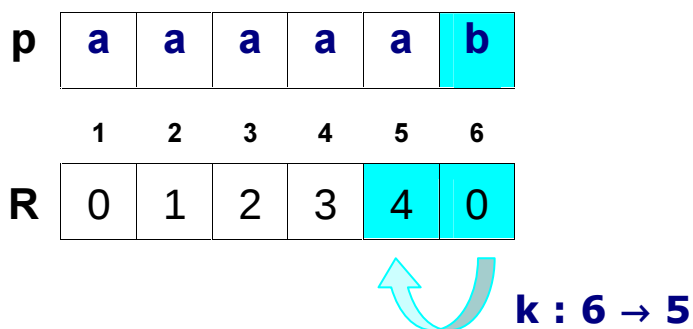
- Se foi verificada uma **desigualdade** $s[i] \neq p[k]$, tal como para **k = 6** :



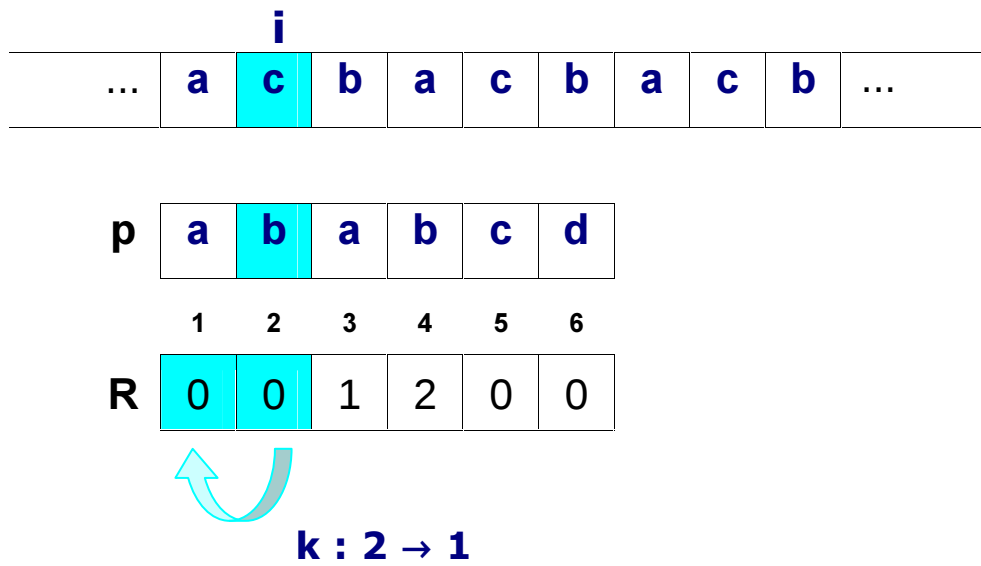
É necessário regressar ao carácter “correspondente” no sub-padrão anterior. Ou seja,

$$k \leftarrow R[k-1] + 1$$

- E processo continuaria, para o mesmo **i**, voltando a comparar $s[i]$ com $p[k]$.
- Para o outro exemplo:



- E mais um exemplo:



$s[i] \neq p[2] \quad : \quad k \leftarrow R[k-1]+1 = R[1]+1 = 1$

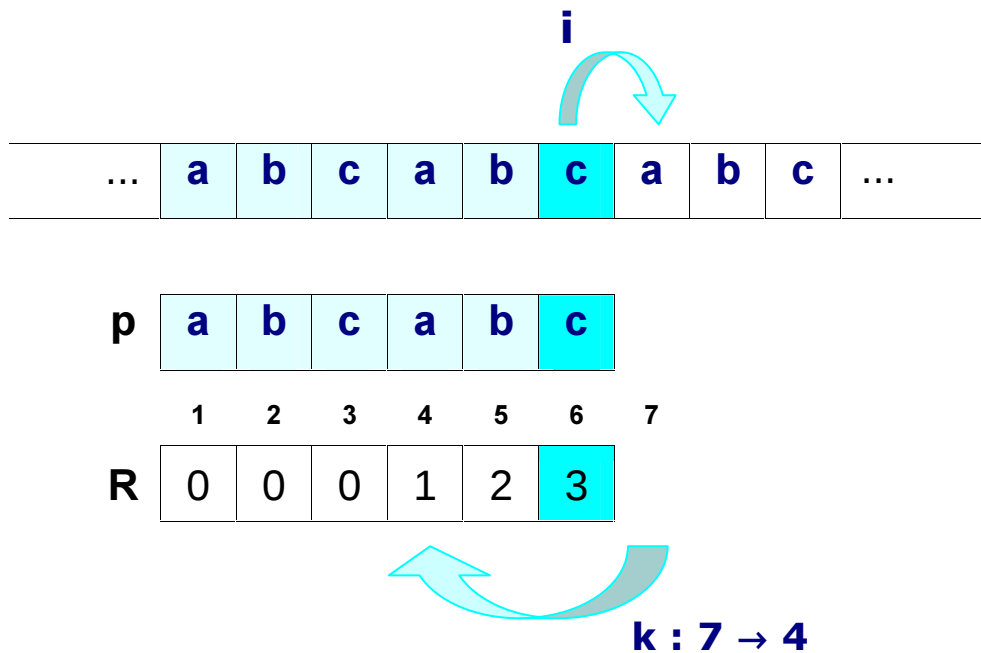
$s[i] \neq p[1] \quad : \quad i \leftarrow i + 1$

- O **i** avança quando a desigualdade é verificada para $k = 1$.

- Portanto:

se $k = 1$
 então $i \leftarrow i + 1$
 senão $k \leftarrow R[k-1] + 1$

- E após uma **concordância total**?



$s[i] = p[6] : i \leftarrow i + 1$
 $k \leftarrow k + 1 = 7$

$k > m : \text{detectada uma concordância.}$

é necessário recuar no modelo,
 utilizando a mesma fórmula.

- Note-se que, neste caso, existem duas concordâncias totais.
- Para uma cadeia de comprimento **n**, o algoritmo KMP nunca efectua mais de duas comparações por elemento. Assim, o número total de comparações varia entre n e $2n$, sendo portanto um **algoritmo linear**.

{ Algoritmo KMP }

```
procedure ContarConcordancias ( s, p : cadeia; m, n : integer;  
                                var R : vector; var conc : integer );  
var   i, k : integer;  
  
begin construirR(p, m, R);  
  
    conc := 0;  
    i := 1;  
    k := 1;  
  
    while i <= n do  
  
        if s[i] = p[k]  
        then begin { concordância parcial }  
            i := i + 1;  
            k := k + 1;  
  
            if k > m  
            then { concordância total }  
                begin conc := conc + 1;  
                    k := R[k-1] + 1  
                end  
            end  
        end  
  
        else { desigualdade }  
            if k = 1  
            then i := i + 1  
            else k := R[k-1] + 1  
  
end; { ContarConcordancias }
```

exercício: Adaptar este módulo para a utilização em ficheiros de texto. Por exemplo: procurar uma frase, contar as ocorrências de uma palavra, ...

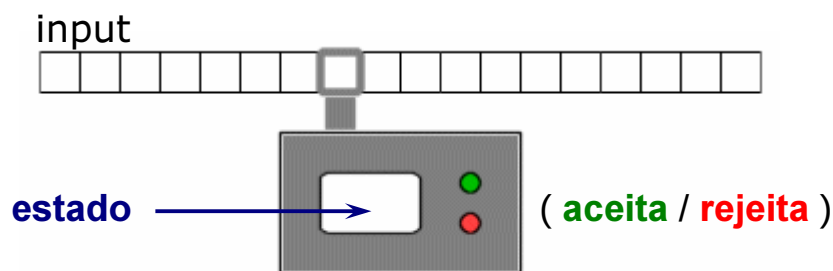
❑ O Modelo Matemático do Algoritmo KMP:

Definição: Um **Autômato Finito Determinista (AFD)** é um quintuplo ordenado,

$$A = (Q, \Sigma, \delta, q_0, F)$$

onde:

- Q é um conjunto finito, não vazio, de **estados**,
- Σ é um conjunto finito (**alfabeto**) de **símbolos de entrada**,
- $\delta : Q \times \Sigma \rightarrow Q$ é a função (parcial) de **transição** ou de **mudança de estado**,
- $q_0 \in Q$ é o **estado inicial**,
- $F \subseteq Q$ é o conjunto dos **estados finais** ou de **aceitação**.



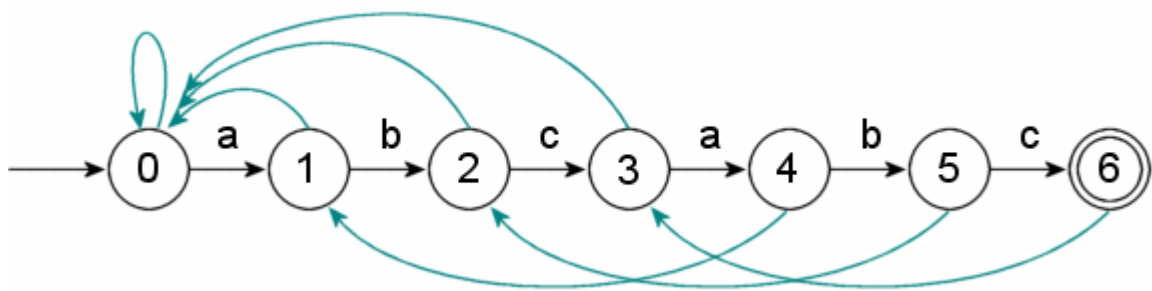
- Para cada modelo a pesquisar, o algoritmo KMP consiste na **construção** de um AFD e na **simulação** do seu funcionamento ao longo da cadeia (input) de pesquisa.
- Um **estado de aceitação** do autômato corresponde a uma **concordância total**.

- A cada modelo corresponde um AFD, cuja **função de transição** foi representada pelo **vector R**.

Por exemplo:

p	a	b	c	a	b	c
	1	2	3	4	5	6
R	0	0	0	1	2	3

ou, na representação habitual de autómatos:



por exemplo,

$$R[5] = 2 \Leftrightarrow \begin{cases} \delta(q_5, c) = q_6 \\ \delta(q_5, x) = q_2, \forall x \neq c \end{cases}$$

- Partindo do **estado inicial** (0), a leitura da sequência **abcabc** conduz ao **estado de aceitação** ((6)).
- Após uma **desigualdade** (ou uma concordância total) o autómato **regressa** a um dos estados anteriores.
- Esse "regresso" era representado pela fórmula $k := R[k-1] + 1$

□ Uma variante do Algoritmo KMP:

- No algoritmo KMP base, o **vector R** é sempre utilizado através da fórmula $k := R[k-1] + 1$.
- Uma alteração simples (para evitar a subtracção e a soma) consiste em registar num **vector S** o resultado dessa fórmula.

Por exemplo:

p	a	b	c	a	b	c	
	1	2	3	4	5	6	7
R	0	0	0	1	2	3	
S	1	1	1	1	2	3	4

Utilização de mais um elemento ($k = m+1$) para o caso da **concordância total**.

```
procedure construirS ( p : cadeia; m : integer; var S : vector);
var i, k : integer;
```

```
  begin S[1] := 1;
        k := 1;
```

```
    for i := 2 to m do
      begin S[i] := k;
        if p[i] = p[k]
        then k := k + 1
        else k := 1
      end;
```

```
    S[m+1] := k
```

```
  end; { construirS }
```

- No exemplo seguinte é utilizada uma **função**.
A pesquisa é realizada num **ficheiro F** de texto, considerado global à função, e o **vector S** é local.

```
function concordancias ( p : cadeia; m : integer ) : integer;  
var   k, c : integer;  
      car : char;  
      S : vector;
```

```
begin construirS(p, m, S);
```

```
    c := 0;  
    k := 1;
```

```
    reset(F);  
    read(F, car);
```

```
    while not eof(F) do
```

```
        if car = p[k]  
        then begin { concordância parcial }  
            read(F, car);  
            k := k + 1;  
  
            if k > m  
            then { concordância total }  
                begin c := c + 1;  
                    k := S[k]  
                end  
        end
```



```
        else { desigualdade }  
            if k = 1  
            then read(F, car)  
            else k := S[k];
```



```
    close(F);
```

```
    concordancias := c
```

```
end; { concordancias }
```

❑ Pesquisa numa Lista Linear Ligada:

- Consideremos agora que o domínio de pesquisa é uma lista linear ligada, definida por:

```

type lista = ^elemento;
      elemento = record letra : char;
                  prox : lista
      end;

```

```

function concordancias ( ponta : lista; p : cadeia; m : integer ) : integer;

```

```

var   k, c : integer;
       S : vector;
       este : lista;

```

```

begin construirS(p, m, S);
       c := 0;
       k := 1;
       este := ponta;

```

```

       while este <> nil do
         if este^.letra = p[k]
         then begin { concordância parcial }
           este := este^.prox;
           k := k + 1;

           if k > m
           then { concordância total }
             begin c := c + 1;
                   k := S[k]
             end
           end
         else { desigualdade }
           if k = 1
           then este := este^.prox
           else k := S[k];

```

```

       concordancias := c

```

```

end; { concordancias }

```

□ Representação do Modelo por uma Lista Ligada:

- Para representar o modelo numa forma “semelhante” a um Autómato Finito Determinista, consideremos a seguinte **lista duplamente ligada**:

```

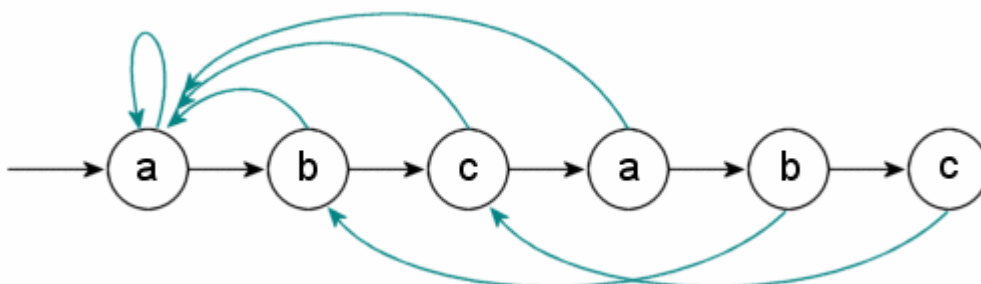
type modelo = ^elemento;
elemento = record letra : char;
                prox, recua : modelo
            end;
  
```

- O ponteiro **prox** é utilizado no caso de uma igualdade de caracteres ($k \leftarrow k+1$) e, no caso de uma desigualdade, o ponteiro **recua** segue as transições definidas pelo **vector S** ($k \leftarrow S[k]$).

Por exemplo, ao modelo:

p	a	b	c	a	b	c
	1	2	3	4	5	6
S	1	1	1	1	2	3

corresponde a lista:



- O deslocamento desta estrutura ao longo do domínio de pesquisa, simula o funcionamento de um Autómato Finito Determinista.

- Assumindo que esta representação do **modelo** foi já construída:

```
function concordancias ( ponta : lista; inicio : modelo ) : integer;
```

```
var  c : integer;  
     este : lista;  
     p : modelo;
```

```
begin c := 0;  
      este := ponta;  
      p := inicio;
```

```
  while este <> nil do
```

```
    if este^.letra = p^.letra  
    then begin { concordância parcial }  
              este := este^.prox;
```

```
              if p^.prox = nil  
              then { concordância total }  
                begin c := c + 1;  
                  p := p^.recua
```

```
                end
```

```
              else p := p^.prox
```

```
            end
```

```
    else { desigualdade }  
      if p = inicio  
      then este := este^.prox  
      else p := p^.recua;
```

```
  concordancias := c
```

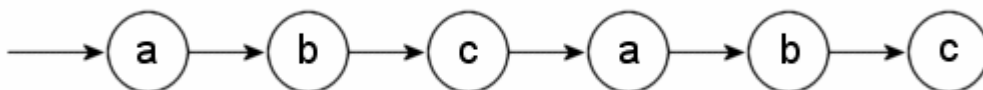
```
end; { concordancias }
```

❑ Construção da Representação:

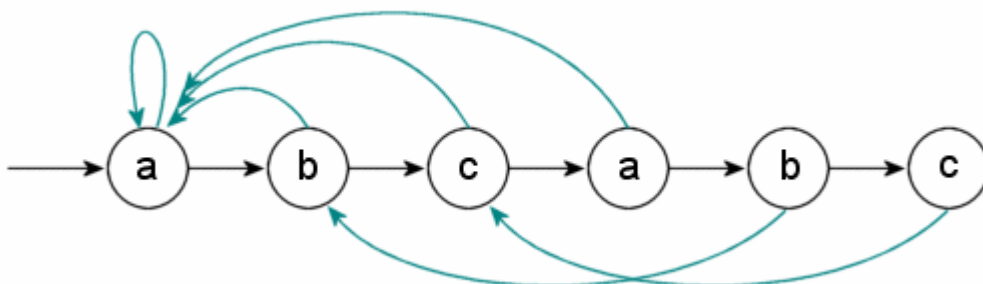
- A partir do padrão inicial e do vector S , começamos por construir a lista e definir os campos **letra** e **prox**:

Por exemplo:

p	a	b	c	a	b	c
	1	2	3	4	5	6
S	1	1	1	1	2	3



- Procuraremos um algoritmo para a definição do campo **recua**:



■ Algoritmo 1:

```
var p, ant, aux : modelo;
```

```
...
```

```
p := inicio;
```

```
p^.recua := inicio;
```

```
while p^.prox <> nil do
```

```
  begin ant := p;
```

```
    p := p^.prox;
```

```
    aux := ant^.recua;
```

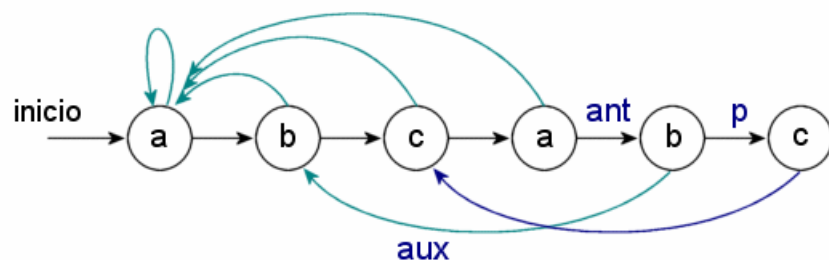
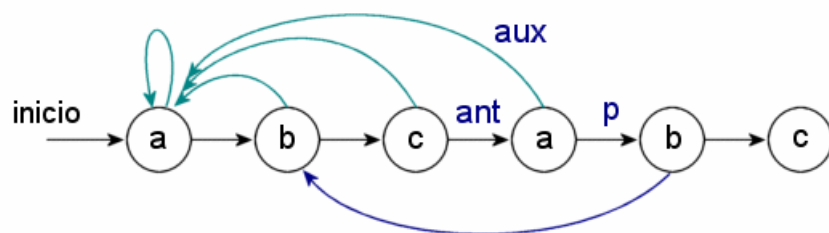
```
  while ( aux^.letra <> ant^.letra ) and ( aux <> inicio ) do  
    aux := aux^.recua;
```

```
  if ( aux^.letra = ant^.letra ) and ( ant <> inicio )
```

```
  then p^.recua := aux^.prox
```

```
  else p^.recua := inicio
```

```
end;
```



■ Algoritmo 2:

- Com base no algoritmo utilizado para a construção do **vector S**:

```
var i, k : integer;  
...  
  
S[1] := 1;  
k := 1;  
  
for i := 2 to m do  
  begin S[i] := k;  
    if p[i] = p[k]  
    then k := k + 1  
    else k := 1  
  end;  
...
```

e adaptando directamente:

```
var p, aux : modelo;  
...  
  
p := inicio;  
aux := inicio;  
p^.recua := inicio;  
  
while p^.prox <> nil do  
  
  begin p := p^.prox;  
    p^.recua := aux;  
  
    if p^.letra = aux^.letra  
    then aux := aux^.prox  
    else aux := inicio  
  
  end;
```

- Compare a eficiência dos dois algoritmos anteriores, na construção das listas associadas aos modelos:

p	a	b	c	a	b	c	
	1	2	3	4	5	6	7
R	0	0	0	1	2	3	
S	1	1	1	1	2	3	4

p	a	a	a	a	a	b	
	1	2	3	4	5	6	7
R	0	1	2	3	4	0	
S	1	1	2	3	4	5	1

p	a	a	a	a	b	a	
	1	2	3	4	5	6	7
R	0	1	2	3	0	1	
S	1	1	2	3	4	1	2